

中国林科院林业所

2023 年全基因组选择技术研讨会

全基因组选择 (Genomic selection, GS) 是利用覆盖全基因组标记对育种目标个体进行遗传潜能评估及预测的方法。全基因组选择作为新一代的育种技术,通过构建预测模型,根据全基因组估计育种值进行早期个体的预测和选择,从而缩短育种世代间隔,加快育种进程,节约成本,推动现代育种向精准化和高效化方向发展。

2023 年 9 月 6 日-10 日,应中国林业科学研究院林业研究所和林木遗传育种全国重点实验室邀请,美国华盛顿州立大学张志武教授来我院进行交流访问,进行为期 5 天的全基因组选择技术专题培训。培训内容包括:基因型与表型数据模拟、全基因组关联分析、分子标记辅助育种、模型拟合与交叉验证、经典统计 (gBLUP、rrBLUP) 模型、贝叶斯基因组预测模型的概念原理和算法实现。

参会人员

从事植物、动物、林木、水产和医学等的统计遗传及相关领域的在读研究生、科研人员及企业研发人员。

时间

2023 年 9 月 6 日-10 日; 9 月 5 日全天报到。

地点

北京市海淀区香山路东小府1号 中国林业科学研究院林木遗传育种
全国重点实验室B座一楼115-116室

报名

本次研讨会无任何会议费用，参会人员食宿自理。

申请人务必将申请材料在8月1日-10日（北京时间）用电子信件发送给张苗苗博士（mmzhang@caf.ac.cn），邮件题目标明“GS Workshop Beijing 2023”，申请材料（zip压缩格式）包括：大学与研究生成绩单、简历、书面申请（限一页）和导师推荐信。录取人员将在8月20日前得到通知和参会回执表。参会人员须将填写的参会回执表，通过电子邮件以附件形式在8月25日前发送至mmzhang@caf.ac.cn，邮件题目标明“GS Workshop Beijing 2023-回执”。

联系方式

张苗苗 博士 中国林业科学研究院林业研究所

邮箱：mmzhang@caf.ac.cn；电话：15010431326

卢楠 博士 中国林业科学研究院林业研究所

邮箱：ln_890110@163.com；电话：13522657300

