

“华智 2017 生物信息技术(GWAS)研修班” 日程安排

日期安排	上课时间	报告题目	主讲 专家
7月26日 (星期三)	14:00-18:00	学员报到	
7月27日 (星期四)	8:30-9:00	学员报到	
	8:30-9:00	研讨会开幕致词、合影	
	9:00-10:20	天河超级计算机与生物医药大数据	彭绍亮
	10:30-12:00	Linux 基本知识	李东
	12:00-13:30	午餐	
	13:30-17:30	全基因组关联分析统计基础 (1, 3, 4, 5)	张志武
	17:00-18:30	晚餐	
7月28日 (星期五)	8:30-12:00	R 语言 (2, 6, 8)	张志武/刘小磊
	12:00--13:30	午餐	
	13:30-14:50	复杂生物数据分析	袁哲明
	15:00-17:30	全基因组关联分析原理 (9, 10)	张志武/刘小磊
	17:30-18:30	晚餐	
7月29日 (星期六)	8:30-12:00	全基因组关联分析成功要素 (11-15)	张志武/刘小磊
	12:00--13:30	午餐	
	13:30-14:50	水稻杂种优势和配合力遗传剖析	李兰芝
	15:00-17:30	关联分析大数据处理 (21, BLINK)	张志武/刘小磊
	17:30-18:30	晚餐	
7月30日 (星期日)	8:30-12:00	全基因组关联分析策略组合 (22, 23)	张志武/刘小磊
	12:00--13:30	午餐	
	13:30-14:50	作物基因组选择辅助育种：概念与策略	王向峰
	15:00-16:00	水稻全基因组数据管理与挖掘	王冰冰
	16:00-16:30	颁发证书	

说明：报告题目括号内数字为华盛顿州立大学统计基因组学讲义编码，详见 <http://zzlab.net>