

# 华智水稻生物技术有限公司

## HUAZHI RICE BIO-TECH CO., LTD.

---

### 关于举办“华智 2017 生物信息技术 (GWAS)研修班”的通知

各种业、科研单位、专家：

为促进生物信息技术和常规育种更加紧密地结合起来，提高育种效率，实现我国粮食丰产提质增效，增强我国种业产业化和国际化的竞争力，保障国家粮食、生态和种业安全，承蒙湖南省专技处和国家外专局资助，由华智水稻生物技术有限公司主办，长沙生物育种产业技术创新战略联盟协办的“华智 2017 生物信息技术 (GWAS)研修班”将于 2017 年 7 月 27 日-30 日在湖南长沙举办。现将有关事项通知如下：

#### 一、研修主要内容

全基因组关联分析 (Genome-Wide Association Study, 简称 GWAS) 是一种寻找复杂数量性状表型变异与遗传因素关系的重要手段。近年来，随着第二代测序技术的不断普及和其价格的不断下降，GWAS 的算法不断发展，GWAS 在作物性状改良、人类健康等多方面的应用不断扩大。

## 二、研修方式

为了普及 GWAS 的知识和提高分析的准确性，华智水稻生物技术有限公司特邀美国华盛顿州立大学的张志武教授主讲，华中农业大学刘小磊副教授辅讲，内容涵盖了 GWAS 理论和上机分析等。GWAS 研修期间，国防科学技术大学彭绍亮研究员、中国农业大学王向峰教授、湖南农业大学袁哲明教授、李兰芝副教授、华智水稻生物技术有限公司王冰冰研究员也将在生物信息其它领域做专题报告。

## 三、研修对象

生物育种公司、科研院所和大学对 GWAS 感兴趣的科学家、高级研究人员、生物信息分析人员。

## 四、报到和研修时间和地点

(一) 报到时间：7 月 26 日 14:00~18:00，27 日 7:30~8:30。

(二) 报到地点：湖南杂交水稻研究中心院内培训大楼一楼前台（湖南省长沙市芙蓉区远大二路 736 号）。

(三) 研修时间：2017 年 7 月 27 日-30 日。

(四) 研修地点：湖南杂交水稻研究中心院内综合楼四楼 405 报告厅（湖南省长沙市芙蓉区远大二路 736 号）

## 五、报名方式

(一) 请参会单位或个人于 7 月 10 日 17:00 前将参会回执（见附件）发送到华智（联系人：刘婧，联系电话：13723866896 0731-84322171，邮箱：[Jing.Liu2@wiserice.com.cn](mailto:Jing.Liu2@wiserice.com.cn)）

## 六、其他事项

(一) 本次研修班学员预计 35 名学员组成，费用为 1500 元/人（包括场地和餐饮等）。录取以报名为序，额满为止。

(三) 研修人员需负责个人的往返交通和住宿费。如需住宿，华智可协助预定个人酒店住宿。我司不安排接站、接机和送站服务，敬请谅解。培训期间请代表注意人身财产安全，贵重物品妥善保管。

酒店名称	单间 (元)	标间 (元)	地址	备注
杂交水稻培训中心	140 (不含早)	140 (不含早)	杂优中心院内	0731-82872980
鑫达贵都	228 (含早)	228 (含早)	长沙市芙蓉区远大二路 892 号	0731-84429666
隆华国际	428 (含早)	448 (含早)	长沙市芙蓉区红旗路 199 号	4006-999-223 转 120140

(四) 学员需自带笔记本电脑。

(五) 培训期间，如有任何要求请及时与会务组联系。

(六) 会务组联系方式

刘婧 137-2386-6896      龙宇 152-1113-9933

张泓 139-7533-9366      吴昆 133-3731-2138

- 附件：1. “华智 2017 生物信息技术(GWAS)研修班” 日程安排  
2. “华智 2017 生物信息技术(GWAS)研修班” 报名回执  
3. “华智 2017 生物信息技术(GWAS)研修班” 地点指示图

华智水稻生物技术有限公司

2017 年 6 月 13 日



## 附件 1 :

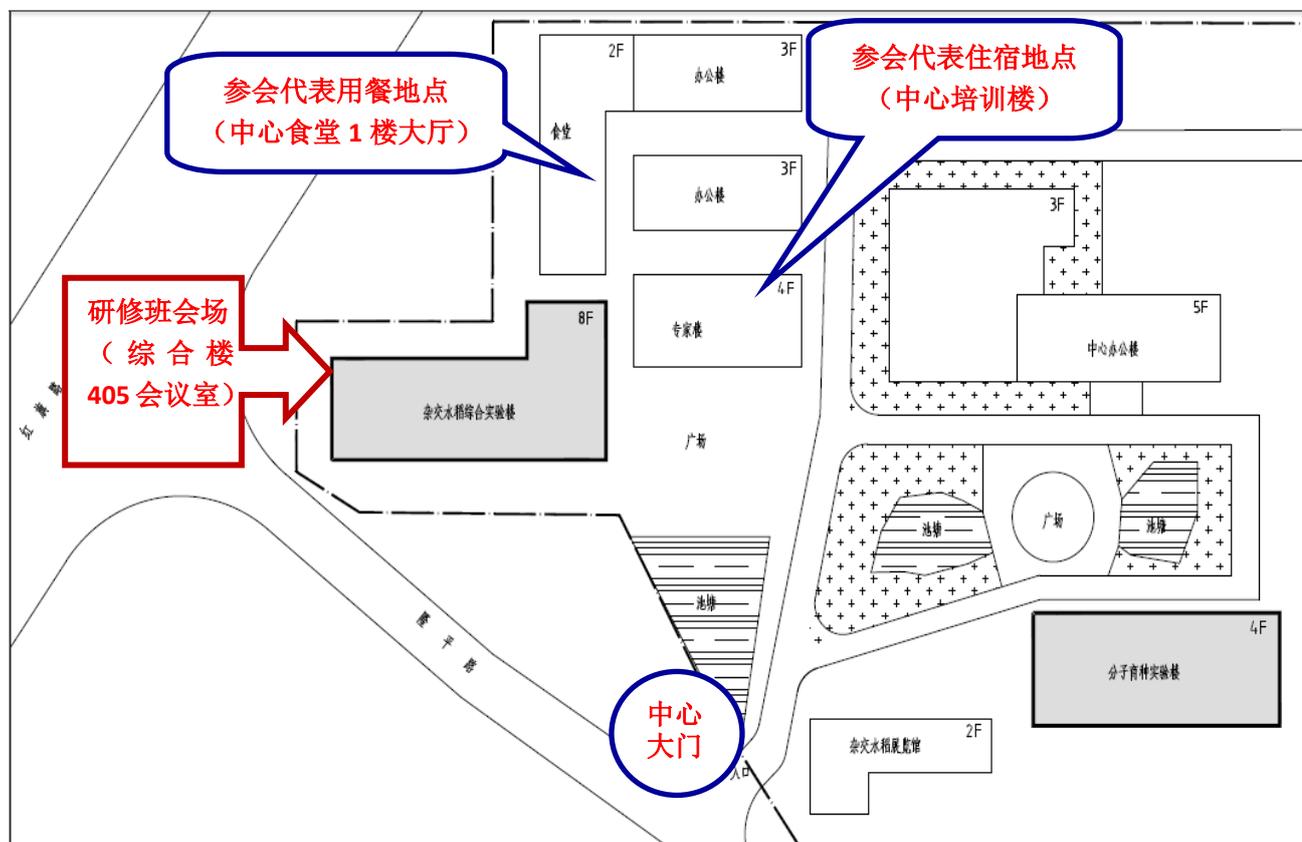
## “华智 2017 生物信息技术 (GWAS) 研修班” 日程安排

日期安排	上课时间	报告题目	主讲专家
7 月 26 日 (星期三)	14:00-18:00	学员报到	
7 月 27 日 (星期四)	8:30-9:00	学员报到	
	8:30-9:00	研讨会开幕致词、合影	
	9:00-10:20	天河超级计算机与生物医药大数据	彭绍亮
	10:30-12:00	Linux 基本知识	李东
	12:00-13:30	午餐	
	13:30-17:30	全基因组关联分析统计基础	张志武
	17:00-18:30	晚餐	
7 月 28 日 (星期五)	8:30-12:00	R 语言	张志武/刘小磊
	12:00--13:30	午餐	
	13:30-14:50	复杂生物数据分析	袁哲明
	15:00-17:30	全基因组关联分析原理	张志武/刘小磊
	17:30-18:30	晚餐	
7 月 29 日 (星期六)	8:30-12:00	全基因组关联分析成功要素	张志武/刘小磊
	12:00--13:30	午餐	
	13:30-14:50	水稻杂种优势和配合力遗传剖析	李兰芝
	15:00-17:30	全基因组关联分析大数据处理	张志武/刘小磊
	17:30-18:30	晚餐	
7 月 30 日 (星期日)	8:30-12:00	全基因组关联分析策略组合	张志武/刘小磊
	12:00--13:30	午餐	
	13:30-14:50	作物基因组选择辅助育种: 概念与策略	王向峰
	15:00-16:00	水稻全基因组数据管理与挖掘	王冰冰
	16:00-16:30	颁发证书	



### 附件 3:

## “华智 2017 生物信息技术 (GWAS) 研修班” 地点指示图 (湖南杂交水稻研究中心)



### ● 乘车路线

本次研修班在湖南杂交水稻研究中心院内举办, 距离黄花机场、长沙火车南站 (高铁站)、长沙火车站大约 30 分钟左右的车程。

➤ 如从机场至会议地点, 可乘的士直达会议地点;

➤ 如从长沙火车南站至会议地点, 除乘的士直达外, 可乘坐地铁 2 号线至人民东路站 2 号出口 (4 站约需 8 分钟), 再转乘的士直达或乘坐 809 路公交至农科院/大汉建材城站下 (6 站约需 10 分钟), 步行 5 分钟左右, 即可到达目的地;

➤ 如从长沙火车站至会议地点, 可在火车站南坪乘坐 10 路公交 (火车站至湖南农大) 至湖南农科院站下, 再往回走 100 米左右即可, 全程约需 30 分钟。